

Figure 1

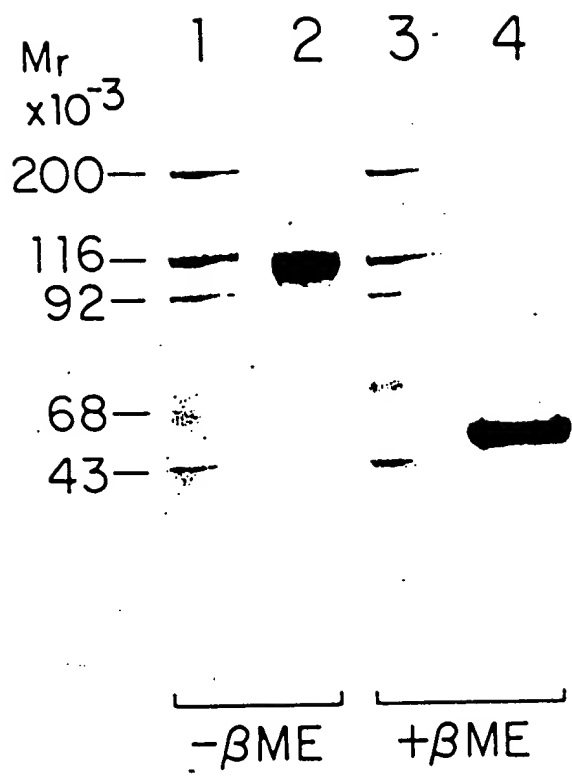


Figure 2

-26

M G V L L T Q R T L L S L V L 45
ATG GGT GTA CTG CTC ACA CAG AGG ACG CTG CTC AGT CTG GTC CTT

A L L F P S M A S M A ⁻¹ ⁺¹ H H V A 90
GCA CTC CTG TTT CCA AGC ATG GCG AGC ATG GCA ATG CAC GTG GCC

Q P A V V L A S S R G I A S F 135
CAG CCT GCT GTG GTA CTG GCC AGC AGC CGA GGC ATC GCC AGC TTT

+20 V C E Y A S P G K A T E V R V 180
GTG TGT GAG TAT GCA TCT CCA GGC AAA GCC ACT GAG GTC CGG GTG

+40 T V L R Q A D S Q V T E V C A 225
ACA GTG CTT CGG CAG GCT GAC AGC CAG GTG ACT GAA GTC TGT GCG

+50 A T Y M M G N E L T F L D D S 270
GCA ACC TAC ATG ATG GGG AAT GAG TTG ACC TTC CTA GAT GAT TCC

+70 I C T G T S S G N Q V N L T I 315
ATC TGC ACG GGC ACC TCC AGT GGA AAT CAA GTG AAC CTC ACT ATC

+80 Q G L R A M D T G L Y I C K V 360
CAA GGA CTG AGG GCC ATG GAC ACG GGA CTC TAC ATC TGC AAG GTG

GLYCOSYLATION SITE
E L M Y P P P Y Y L G I G N G 405
GAG CTC ATG TAC CCA CCG CCA TAC TAC CTG GGC ATA GGC AAC GGA

+110 T Q I Y V I D P E P C P D S D 450
ACC CAG ATT TAT GTA ATT GAT CCA GAA CCG TGC CCA GAT TCT GAC

+130 F L L W I L A A V S S G L F F 495
TTC CTC CTC TGG ATC CTT GCA GCA GTT AGT TCG GGG TTG TTT TTT

+140 Y S F L L T A V S L S K M L K 540
TAT AGC TTT CTC CTC ACA GCT GTT TCT TTG AGC AAA ATG CTA AAG

+160 K R S P L T T G V Y V K M P P 585
AAA AGA AGC CCT CTT ACA ACA GGG GTC TAT GTG AAA ATG CCC CCA

+170 T E P E C E K Q F Q P Y F I P 630
ACA GAG CCA GAA TGT GAA AAG CAA TTT CAG CCT TAT TTT ATT CCC

+186
I N
ATC AAT

636

Figure 3

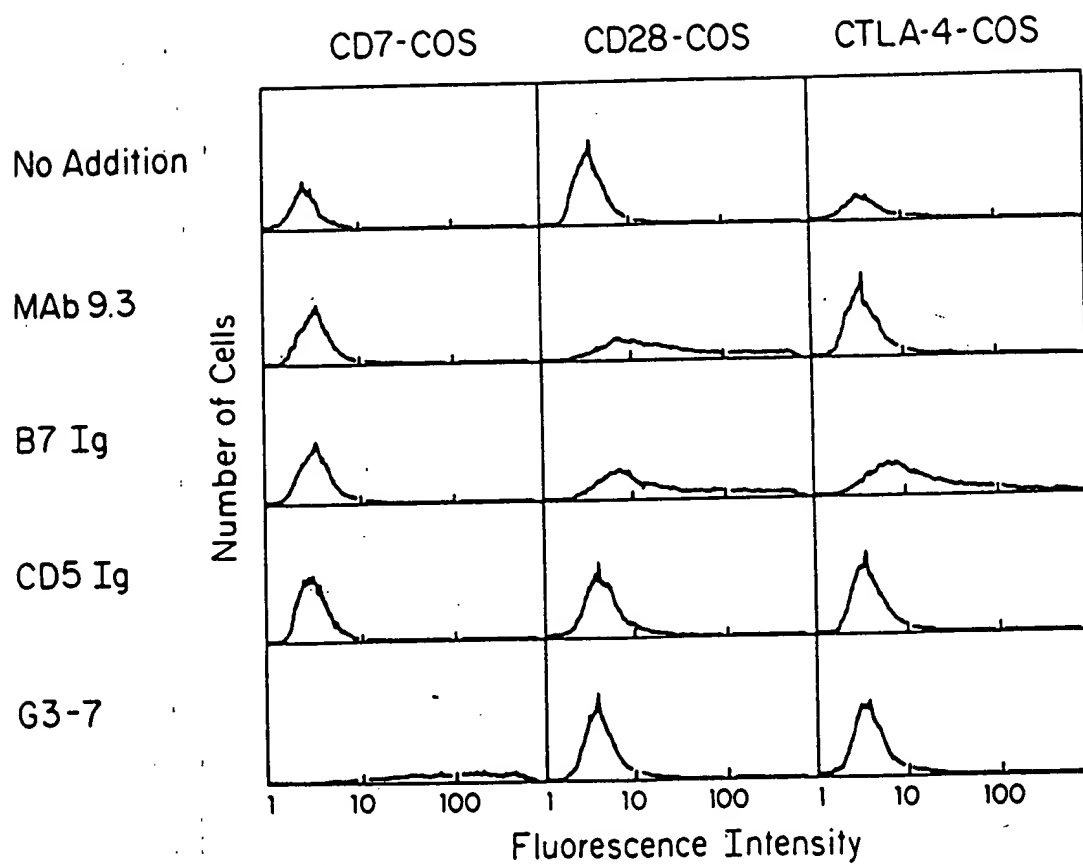


Figure 4

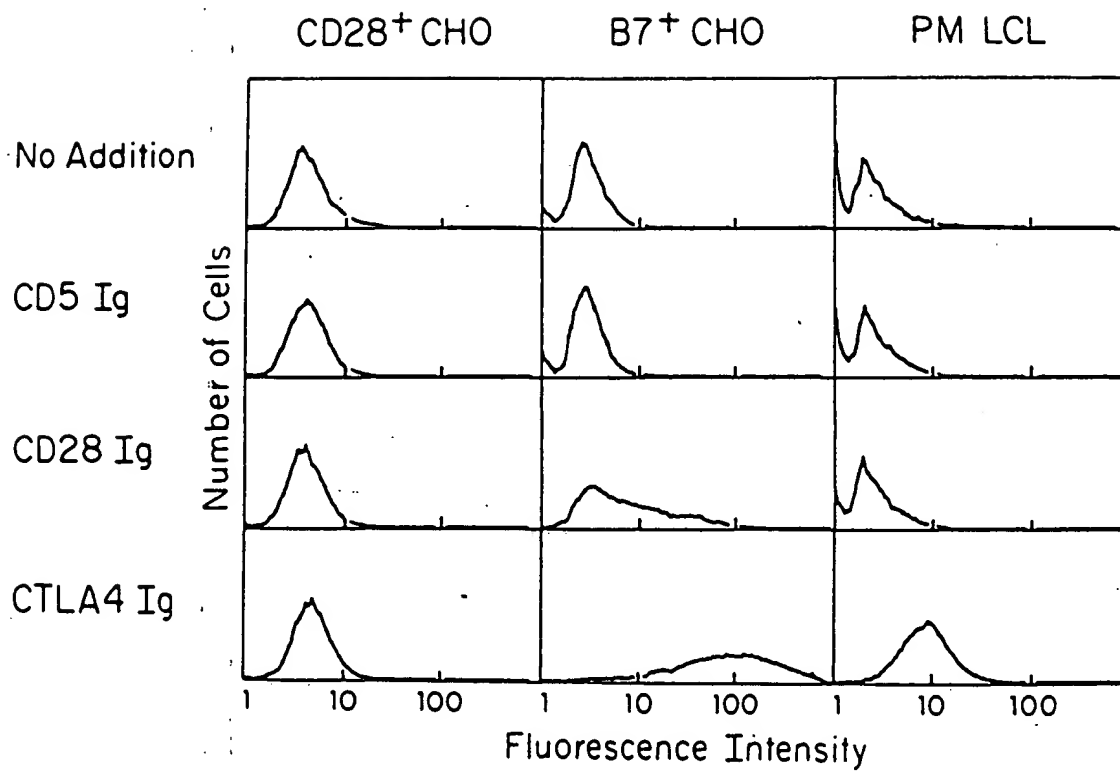


Figure 5

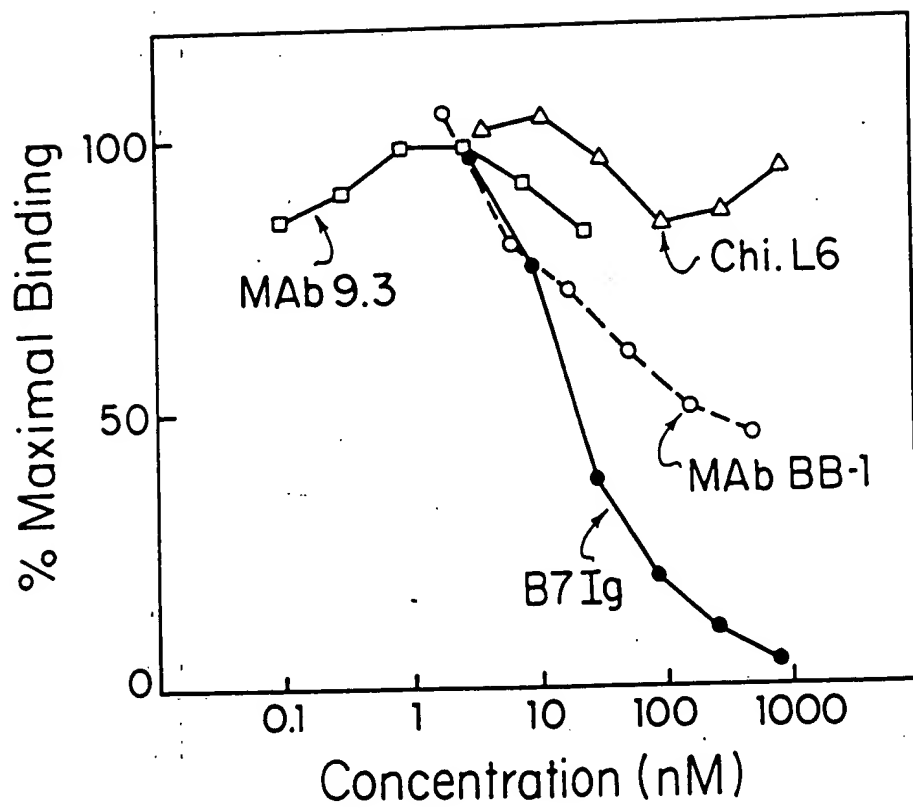


Figure 6

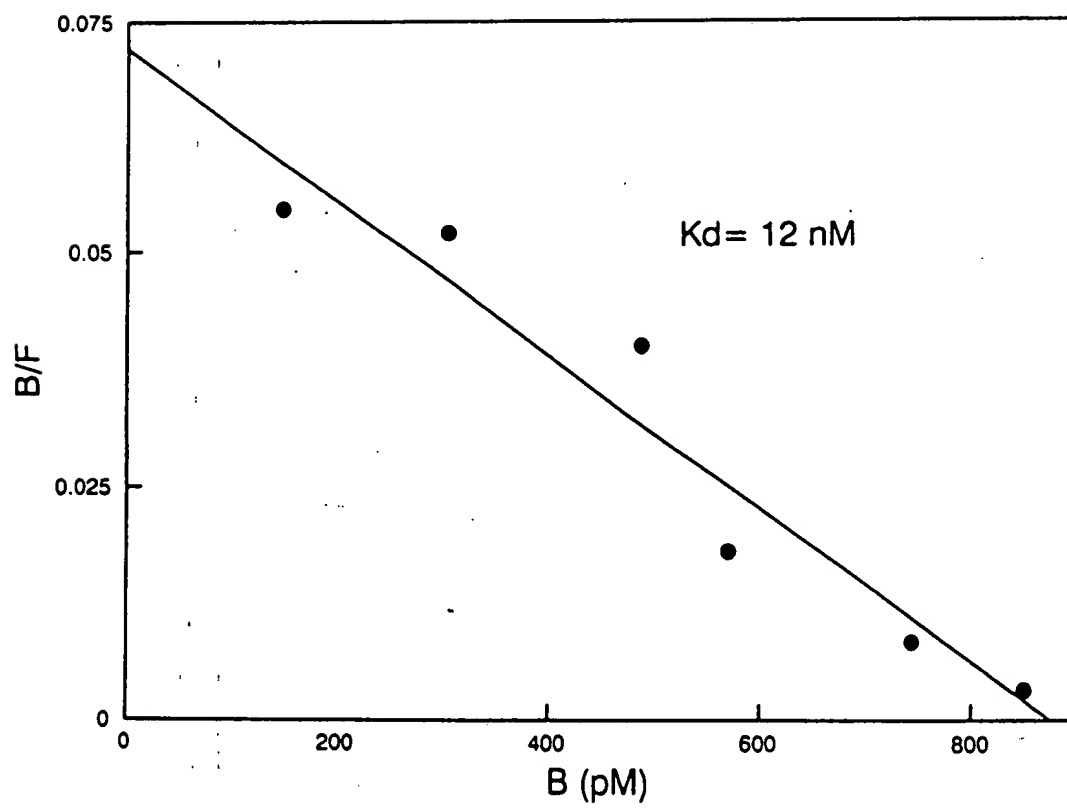


Figure 7

Western blot analysis showing the expression of CD28, CTLA4, and CD5 in B7⁺ CHO and PM LCL cells. The blot is probed with anti-CD28, anti-CTLA4, and anti-CD5 antibodies. Molecular weight markers (Mr x 10⁻³) are indicated on the right: 200, 116, 92, 68, and 43. The cells are grouped into B7⁺ CHO and PM LCL. The addition of antibodies is indicated at the top: CD28 Ig, CTLA4 Ig, and CD5 Ig.

Cells	CD28 Ig	CTLA4 Ig	CD5 Ig
B7 ⁺ CHO	Strong band at ~92 kDa	Strong band at ~92 kDa	Strong band at ~92 kDa
PM LCL	Strong band at ~92 kDa	Strong band at ~92 kDa	Strong band at ~92 kDa

Figure 8

Concentration (μg/ml)	CD28 Ig (%)	B7 Ig (%)	9.3 Fab (%)	CTLA-4 Ig (%)
0.001	85	95	85	95
0.01	95	90	95	90
0.05	100	95	90	40
0.2	110	90	40	20
1.0	120	85	10	10

Figure 9

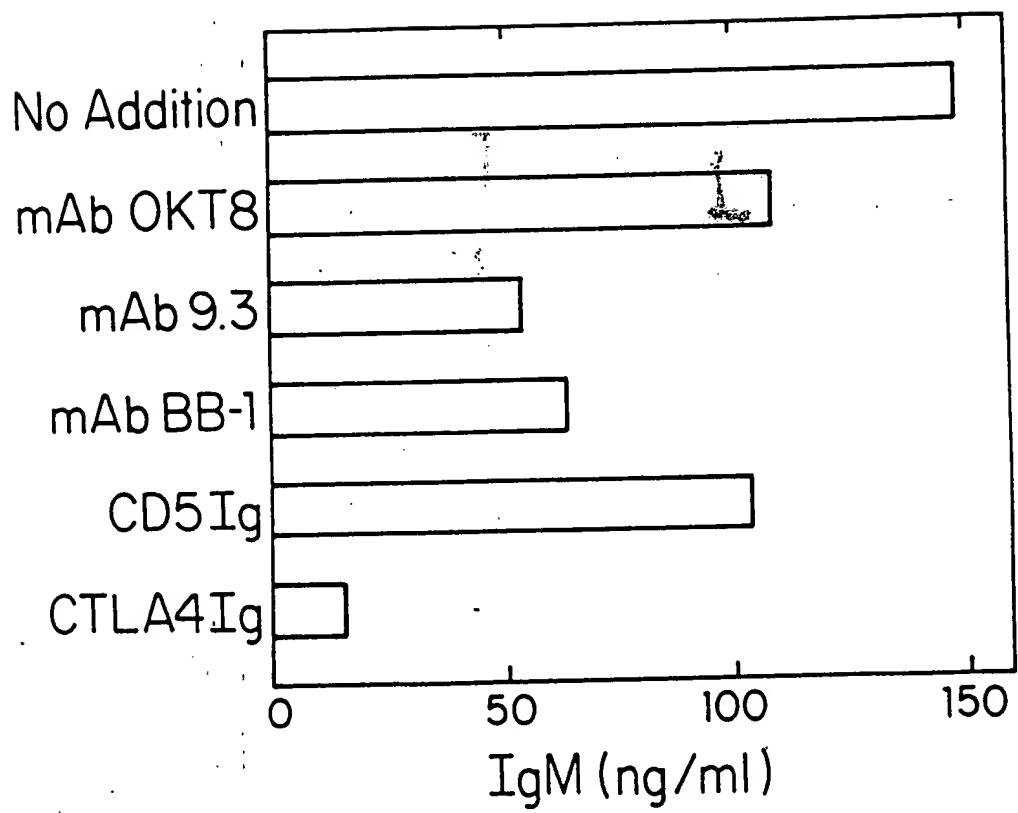


Figure 10

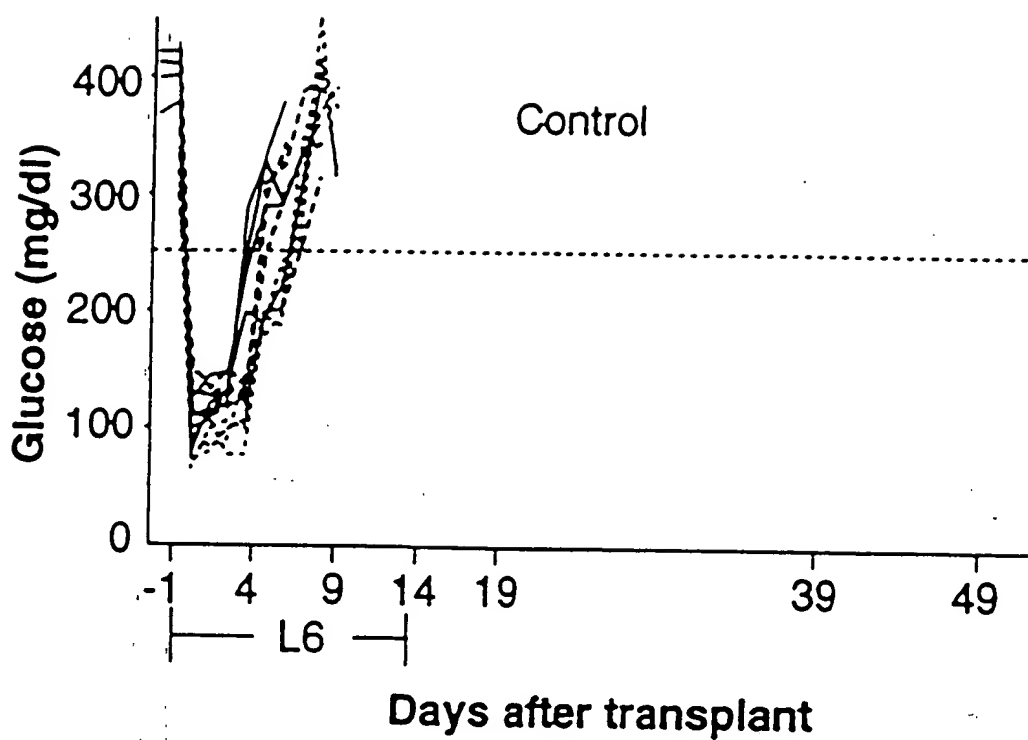


Figure 11A

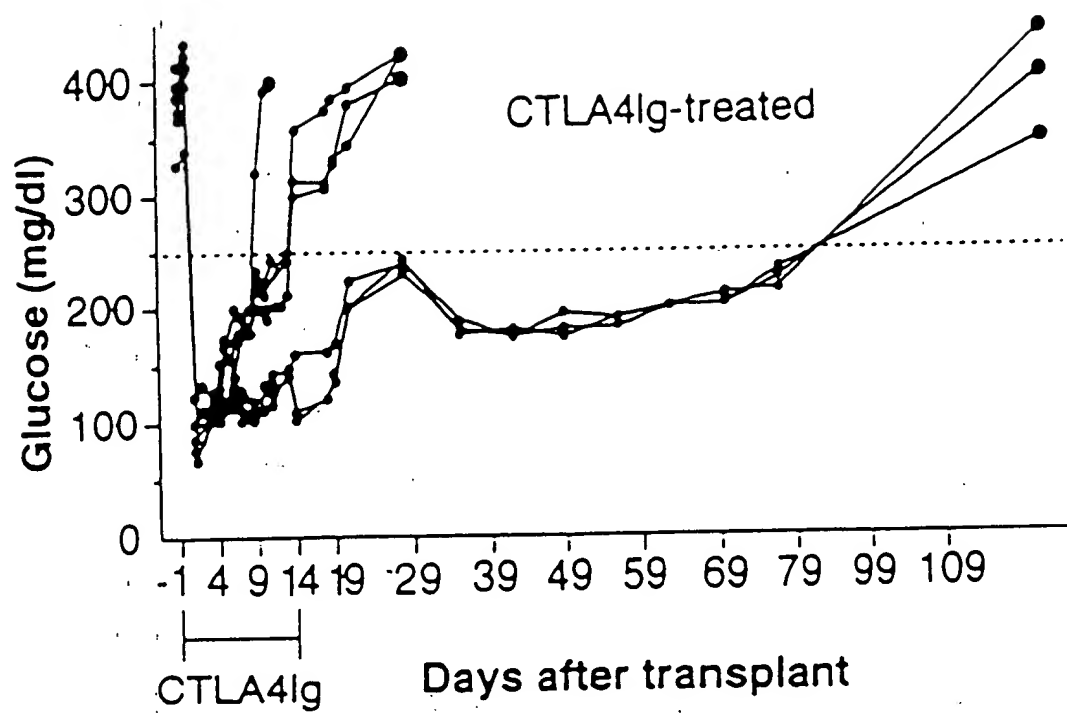


Figure 11B

00000205460920

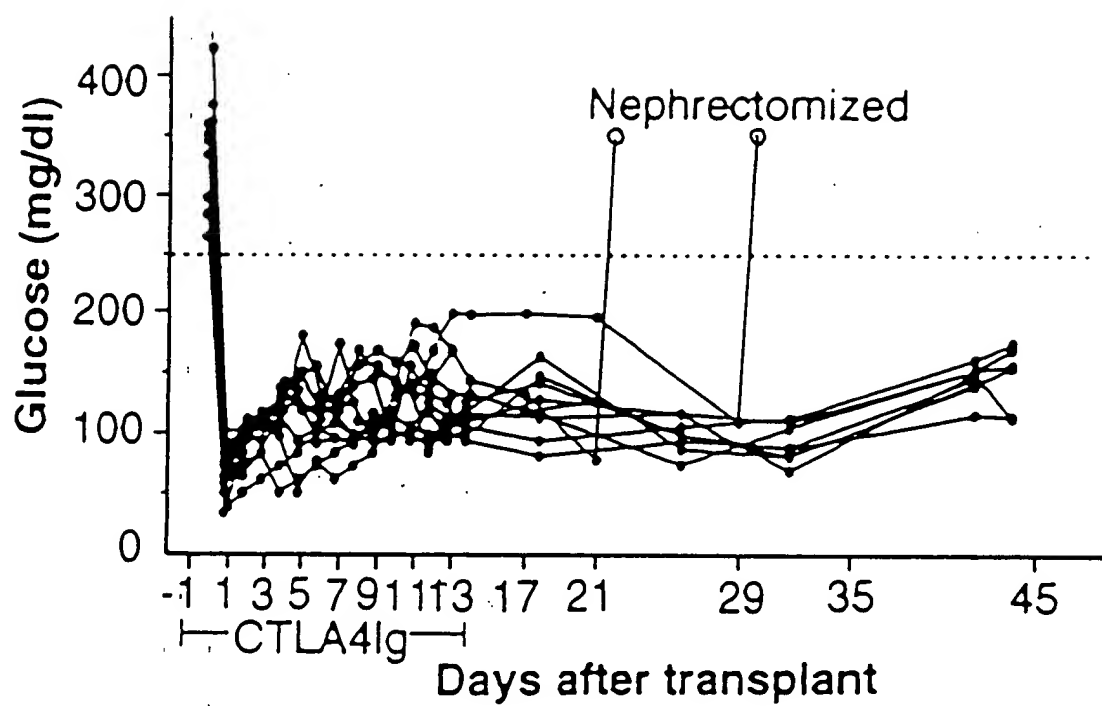


Figure 11C

Figure 12

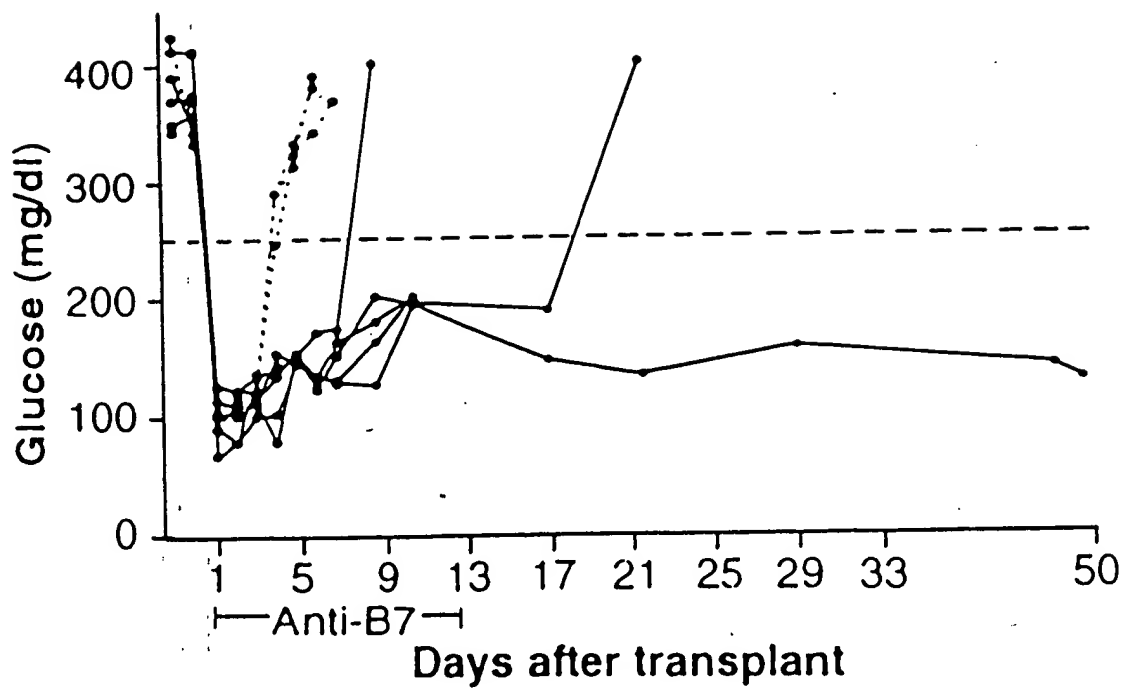


Figure 13

Figure 1 is a line graph showing blood glucose levels (mg/dl) over time (Days after initial transplant) for three groups of rats. The Y-axis ranges from 0 to >450 mg/dl, and the X-axis ranges from 0 to 95 days. A horizontal dotted line at 250 mg/dl represents the normal range. The 'Nephrectomized' group (solid line with solid circles) shows a sharp peak at day 48, exceeding 450 mg/dl. The 'Retransplanted' group (solid line with open circles) also shows a sharp peak at day 48, reaching approximately 450 mg/dl. The 'Control' group (dotted line with open circles) shows a much lower peak at day 48, reaching approximately 380 mg/dl. All groups show a rapid decline in glucose levels after the peak, with the 'Control' group remaining relatively stable around 100-150 mg/dl.

Figure 14

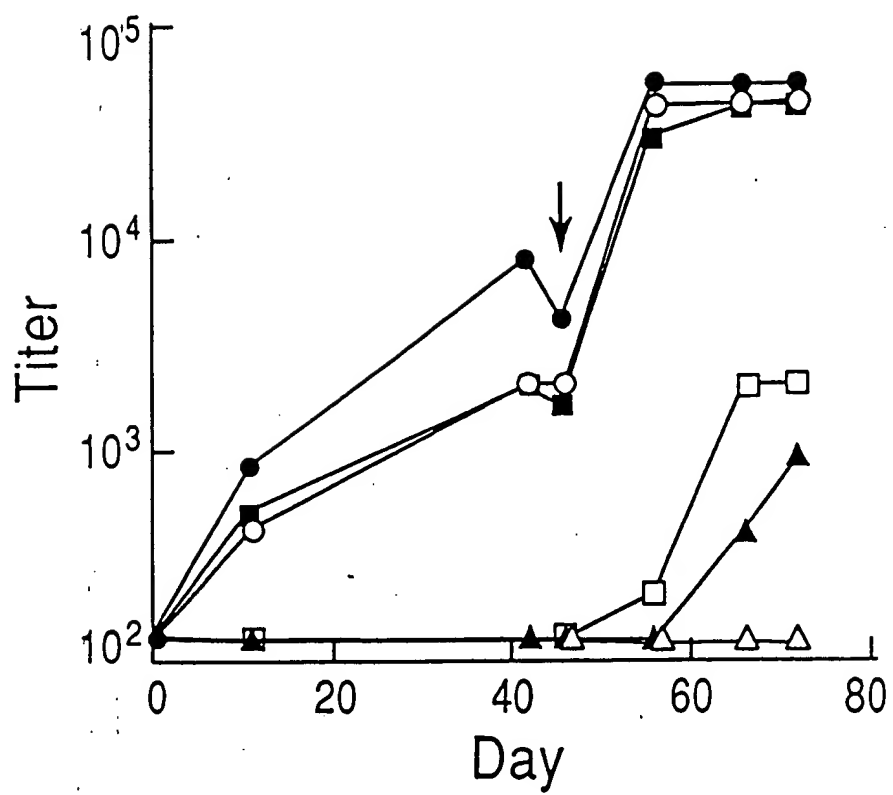


Figure 15

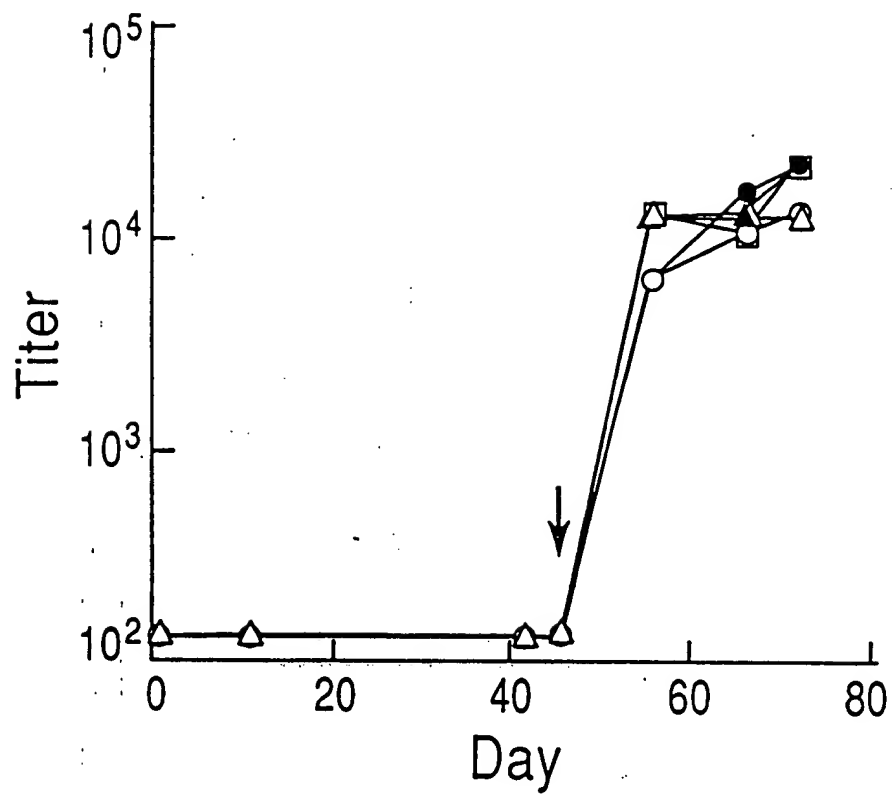


Figure 16

	M	A	C	L	G	F	Q	R	H	K	A	Q	L	H	L	A	A	R	T	W	P	C	T	L	L	F	F	L	L	F	F	L	F	I	P	V	F	C	K	A	M	H	V	A	Q	P	A	V	V	L	A	S	
Hcla4	M	A	C	L	G	F	Q	R	H	K	A	Q	L	H	L	A	A	R	T	W	P	C	T	L	L	F	F	L	L	F	F	L	F	I	P	V	F	C	K	A	M	H	V	A	Q	P	A	V	V	L	A	S	
Muc1a4	M	A	C	L	G	F	Q	R	H	K	A	Q	L	H	L	A	A	R	T	W	P	C	T	L	L	F	F	L	L	F	F	L	F	I	P	V	F	S	E	A	I	Q	V	T	Q	P	S	V	V	L	A	S	
Mcd28	M	T	L	R	L	F	L	A	L	N	F	F	F	F	F	F	F	S	V	Q	V	T	E	N	K	I	L	V	K	Q	S	P	L	L	V	V	D	S
Rcd28	M	T	L	R	L	F	L	A	L	S	F	F	F	F	F	F	S	V	Q	V	T	E	N	K	I	L	V	K	Q	S	P	L	L	V	V	D	S	
Hcd28	M	T	L	R	L	L	L	A	L	N	L	F	F	F	F	F	S	I	Q	V	T	G	N	K	I	L	V	K	Q	S	P	L	L	V	V	D	S	
Clcd28	M	T	L	R	L	G	I	V	V	C	L	L	L	L	L	L	P	A	A	D	V	T	E	N	K	I	L	V	A	Q	R	P	L	L	V	V	N	

[illegible][illegible]

	Q	I	Y	V	I	D	P	E	P	C		F	L	L	W	I	L	A	A	V	S	S	G	L	F	F	F	V	S	F	L	L	T	A	V	S	L	S	K	M	L	K	
hctla4	Q	I	Y	V	I	D	P	E	P	C		F	L	L	W	I	L	A	A	V	S	S	G	L	F	F	F	V	S	F	L	L	T	A	V	S	L <td>S<td>K<td>M<td>L<td>K</td></td></td></td></td>	S <td>K<td>M<td>L<td>K</td></td></td></td>	K <td>M<td>L<td>K</td></td></td>	M <td>L<td>K</td></td>	L <td>K</td>	K	
huctla4	Q	I	Y	V	I	D	P	E	P	C		F	L	L	W	I	L	V	A	V	S	S	G	L	F	F	F	V	S	F	L	L	T	A	V	S	L <td>S<td>K<td>M<td>L<td>K</td></td></td></td></td>	S <td>K<td>M<td>L<td>K</td></td></td></td>	K <td>M<td>L<td>K</td></td></td>	M <td>L<td>K</td></td>	L <td>K</td>	K	
hctcd28	I	I	H	I	K	E	K	H	L	C	H	S	P	K	L	F	A	L	V	V	A	G	V	L	F	C	V	Q	L	L	L	L	T	V	A	L	C	V	I	W	T	N	S
Rcd28	I	I	H	I	K	E	K	H	L	C	H	S	P	K	L	F	P	L	V	V	V	A	G	V	L	L	C	V	G	L	L	L	T	V	T	L	C	I	W	T	N	S	
hcd28	I	I	H	V	K	G	K	H	L	C	H	S	P	L	F	P	W	V	L	V	V	G	G	V	L	A	C	V	S	L	L	L	T	V	A	F	I	F	W	V	R	S	
hcd28	V	I	H	V	R	E	T	P	I			Q	T	Q	E	P	E	S	A	T	S	Y	W	T	G	L	L	G	F	V	S	M	L	T	A	V	F	I	Y	R	Q	K	S

101
tctla4
Auctla4
Mcd28
Rcd28
tcd28
^htcd28

Figure 17

FIGURE 18

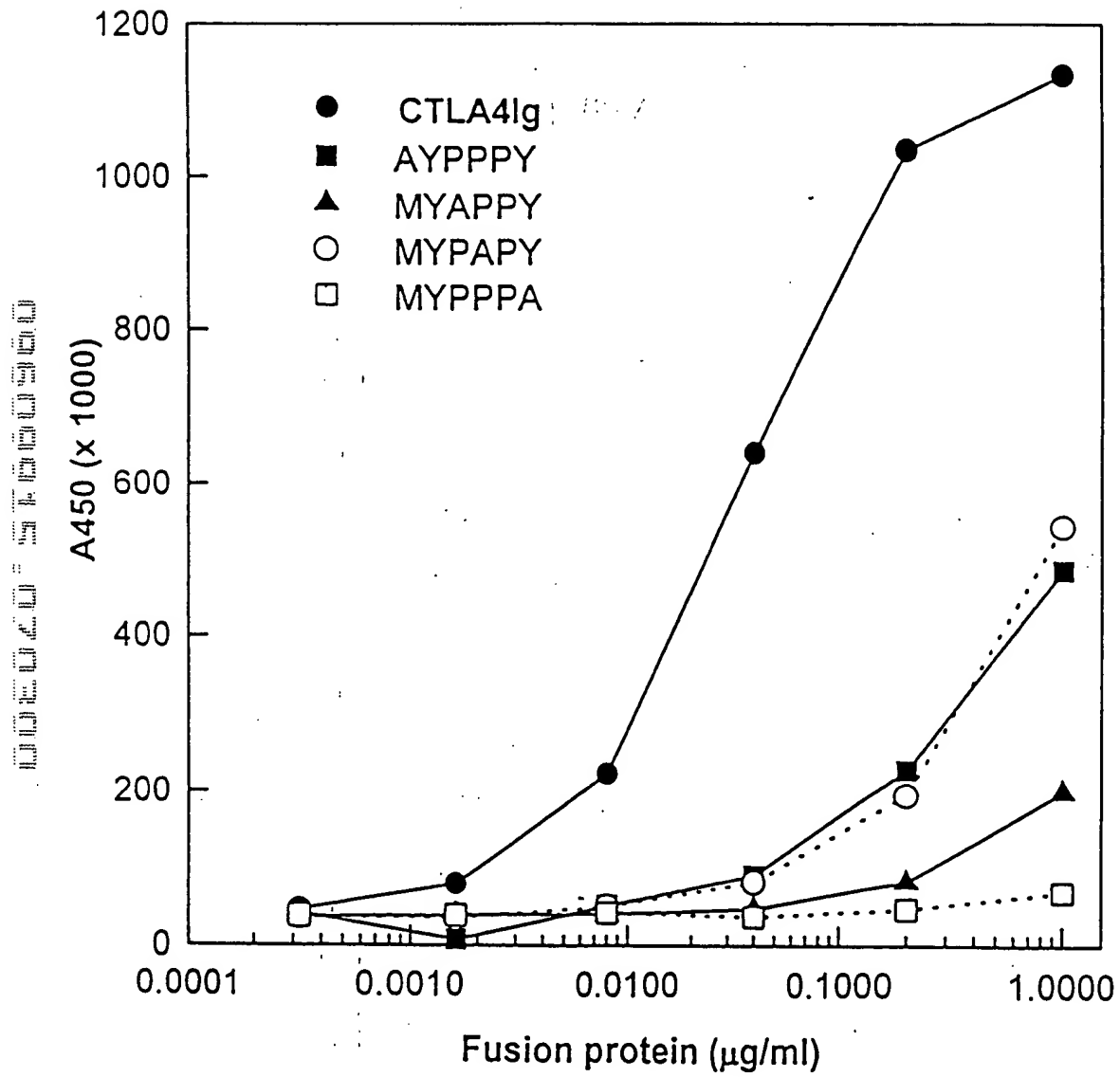


FIGURE 19

% B7
Binding Activity

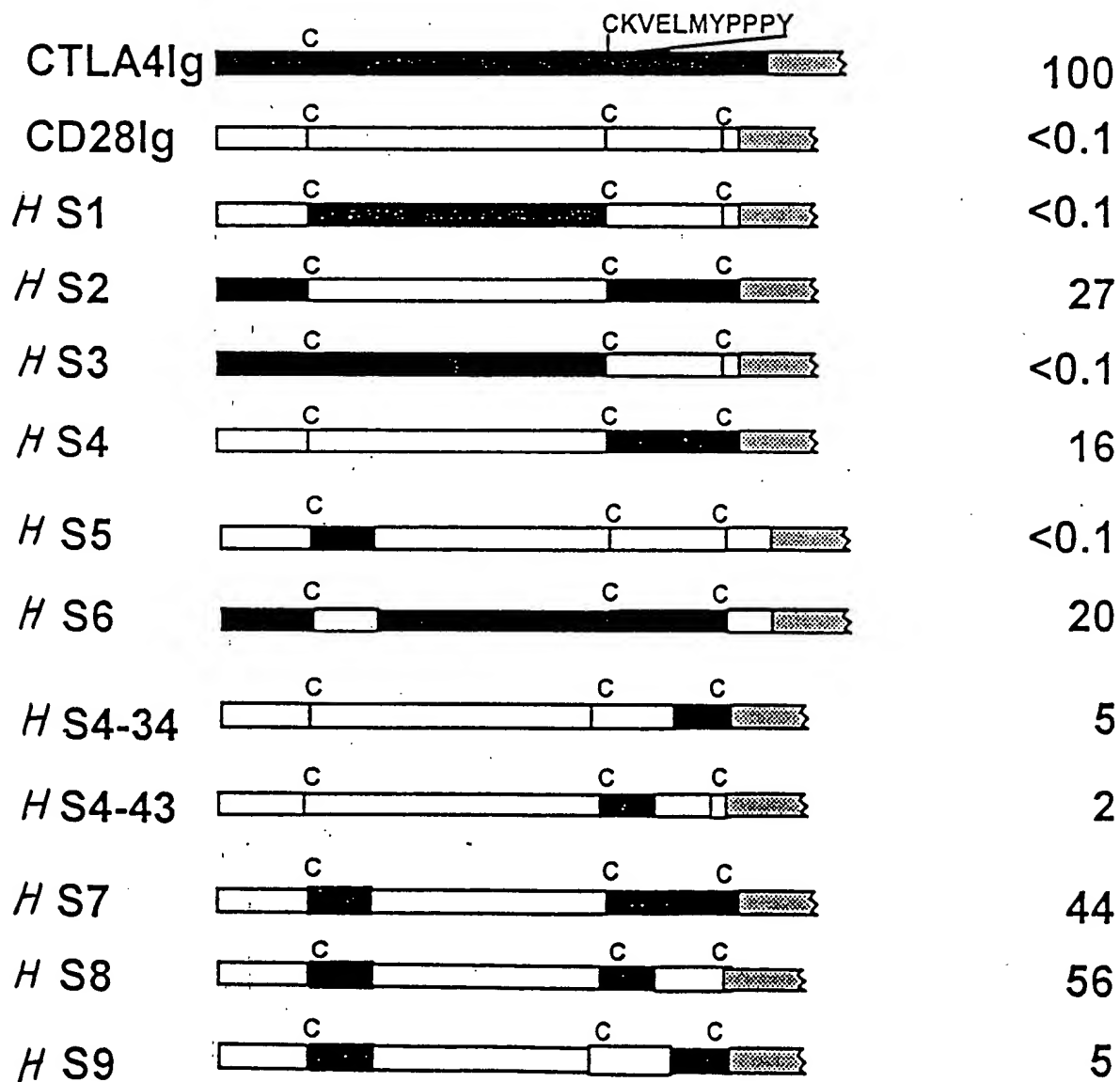


FIGURE 20(a)

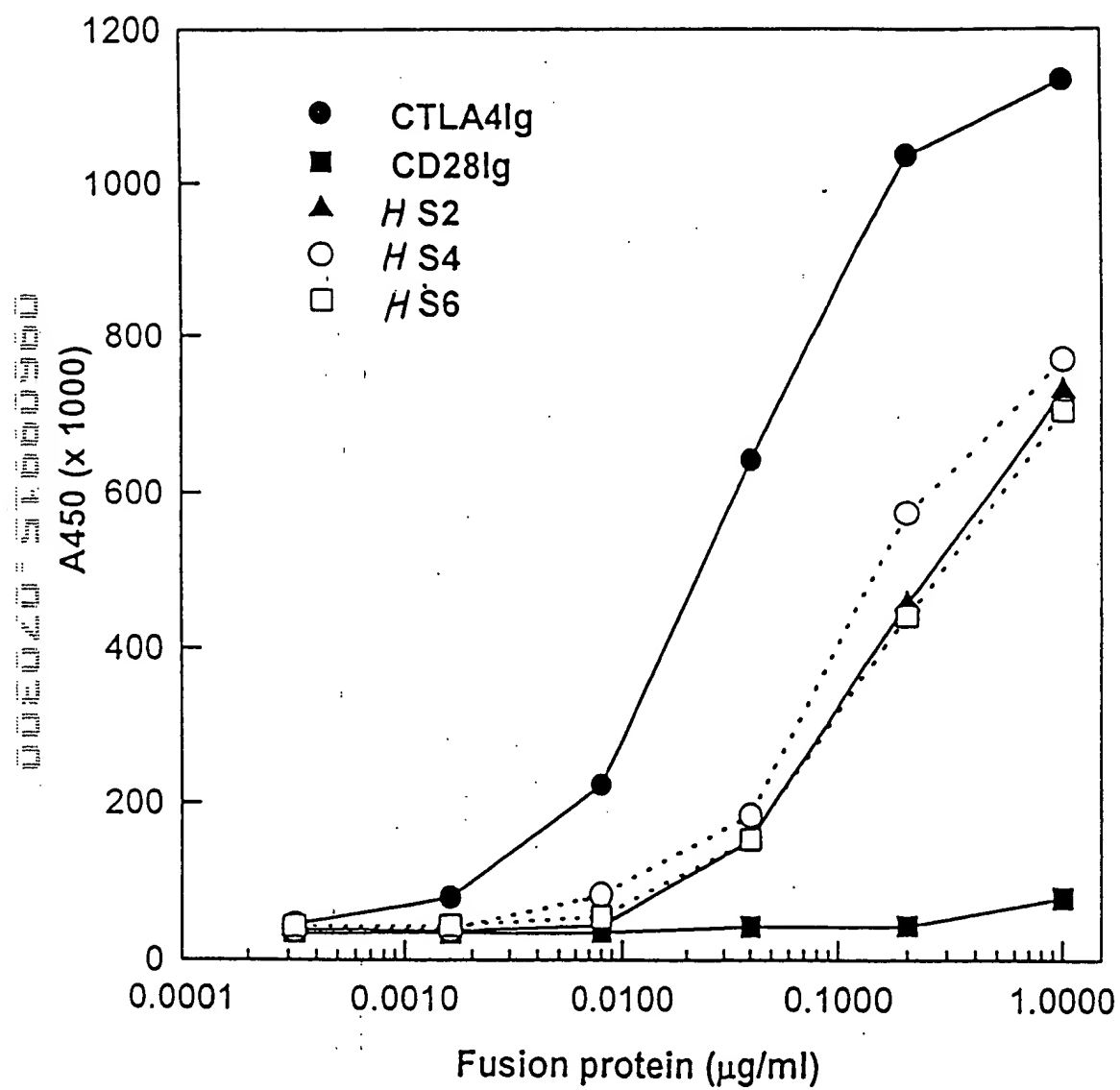


FIGURE 20(b)

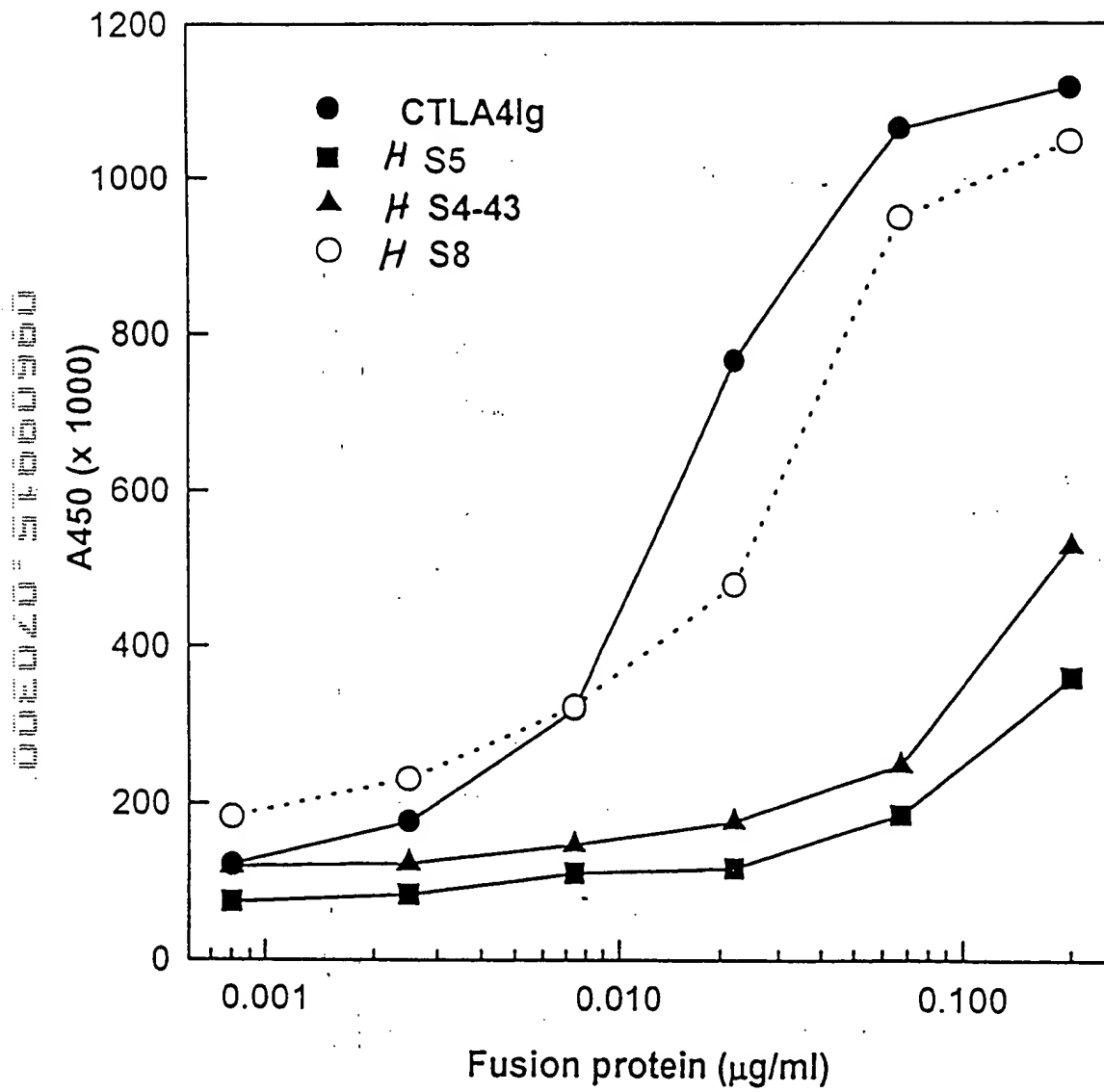
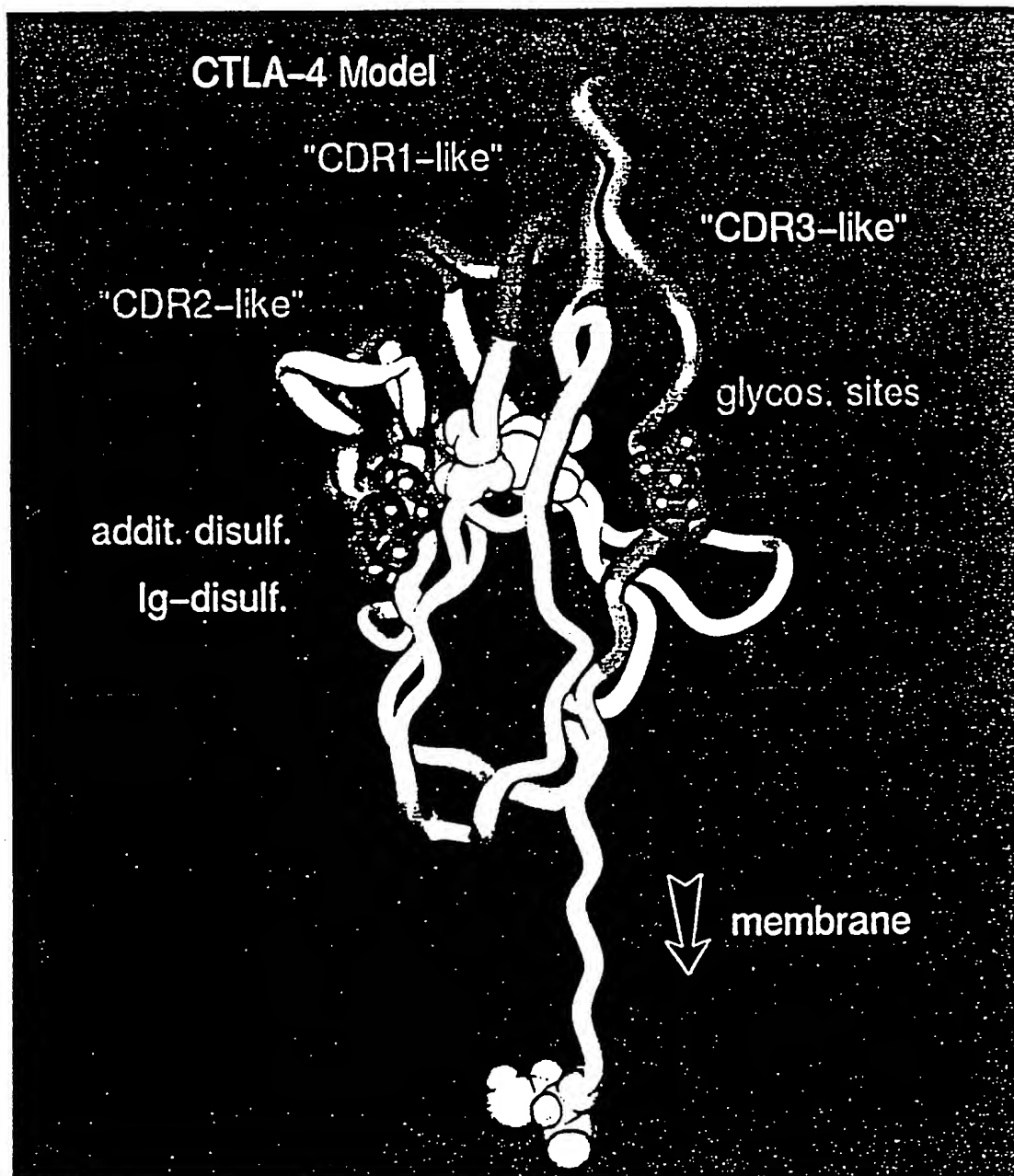


FIGURE 21



ruoko
-78

Year	1990	1991	1992	1993	1994	1995	1996	1997	1998	1999	2000	2001	2002	2003	2004	2005	2006	2007	2008	2009	2010	2011	2012	2013	2014	2015	2016	2017	2018	2019	2020	2021	2022	2023	2024	2025	2026	2027	2028	2029	2030	2031	2032	2033	2034	2035	2036	2037	2038	2039	2040	2041	2042	2043	2044	2045	2046	2047	2048	2049	2050	2051	2052	2053	2054	2055	2056	2057	2058	2059	2060	2061	2062	2063	2064	2065	2066	2067	2068	2069	2070	2071	2072	2073	2074	2075	2076	2077	2078	2079	2080	2081	2082	2083	2084	2085	2086	2087	2088	2089	2090	2091	2092	2093	2094	2095	2096	2097	2098	2099
1990	1991	1992	1993	1994	1995	1996	1997	1998	1999	2000	2001	2002	2003	2004	2005	2006	2007	2008	2009	2010	2011	2012	2013	2014	2015	2016	2017	2018	2019	2020	2021	2022	2023	2024	2025	2026	2027	2028	2029	2030	2031	2032	2033	2034	2035	2036	2037	2038	2039	2040	2041	2042	2043	2044	2045	2046	2047	2048	2049	2050	2051	2052	2053	2054	2055	2056	2057	2058	2059	2060	2061	2062	2063	2064	2065	2066	2067	2068	2069	2070	2071	2072	2073	2074	2075	2076	2077	2078	2079	2080	2081	2082	2083	2084	2085	2086	2087	2088	2089	2090	2091	2092	2093	2094	2095	2096	2097	2098	2099	

amino acid
-26
nucleotide
-78

ATGGGTGTACTGCTCACACAGAGGACGCTGCTCAOTCTGGTCCTTGCACTCCTGTTTCCA
 (M) G V L L T Q R T L L S L V L A L L F P
 AGCATGGCGAGCATGGCAATGCACGTGGCCAGCCTGCTGTGGTACTGCCAGCAGCCGA
 S M A S M A M H V A Q P A V V L A S S R
 GGCATCGCTAGCTTTGTGTGTGAGTATGCATCTCCAGGCAAAGCCACTGAGGTCCGGGTG
 G I A S F V C E Y A S P G K A T E V R V
 ACAGTGCTTCGGCAGGCTGACAGCCAGGTGACTGAAGTCTGTGCGGCAACCTACATGATG
 T V L R Q A D S Q V T E V C A A T Y M M
 GGAATGAGTTGACCTTCCTAGATGATTCCATCTGCACGGGCACCTCCAGTGGAATCAA
 G N E L T F L D D S I C T G T S S G N Q
 GTGAACCTCACTATCCAAGGACTGAGGGCCATGGACACGGGACTCTACATCTGCAAGGTG
 V N L T I Q G L R A M D T G L Y I C K V
 GAGCTCATGTACCCACCCCATACTACGAGGGCATAGGCAACGGAACCCAGATTTATGTA
 E L M Y P P P Y Y E G I G N G T Q I Y V
 ATTGATCCAGAACCGTGCCCGAGATTCGTATCAAGAGCCCAAATCTTCTGACAAAACCTCAC
 I D P B P C P D S D Q E P K S S D K T H
 ACATCCCCACCGTCCCGAGCACCTGAACCTCGGGGGATCGTCAOTCTTCTCTTCCCC
 T S P P S P A P E L L G G S S V F L F P
 CCAAAACCCAAGGACACCCCTCATGATCTCCCGGACCCCTGAGGTACATGCGTGGTGGTG
 P K P K D T L M I S R T P B V T C V V V
 GACGTGAGCCACGAAGACCCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGTACGTGACGGCGTGGAGGTG
 D V S H E D P B V K F N W Y V D G V E V
 CATAATGCCAAGACAAAGCCCGGGGAGGAGCAGTACAACAGCAGCTACCGTGTGGTCAGC
 H N A K T K P R E E Q Y N S T Y R V V S
 GTCTCACCCTGCTGCACCAGGACTGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTCAAGGTCTCC
 V L T V L H Q D W L N G K E Y K C K V S
 AACAAAGCCCTCCAGCCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA
 N K A L P A P I E K T I S K A K G Q P R
 GAACACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGGATGAGCTGACCAAGAACCAGGTACAGC
 E P Q V Y T L P P S R D E L T K N Q V S
 CTGACCTGCTGTCAAAGGCTTCTATCCCGAGGACATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT
 L T C L V K G F Y P S D I A V E W E S N
 GGGCAGCCGGAGAACAACTACAAGACCACGCTCCCGTGTGGACTCCGACGGCTCTCTC
 G Q P E N N Y K T T P P V L D S D G S F
 TTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
 F L Y S K L T V D K S R W Q Q G N V F S
 TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCT
 C S V M H E A L H N K Y T Q K S L S L S
 CCGGGTAAATGA
 P G K

Figure 23

Amino acid
-26
nucleotide
-78



ATGGGTGTACTGCTCACACAGAGGACGCTGCTCAGTCTGGTCCTTGCACTCCTGTTTCCA
 M G V L L T Q R T L L S L V L A L L F P
 +1
 AGCATGGCGAGCATGGCAATGCACGTGGCCAGCCCTGCTGTGGTACTGGCCAGCAGCCGA
 S M A S M A H V A Q P A V V L A S S R
 NRCI 54
 GGCATCGCTAGCTTTGTGTGTGAGTATGCATCTCCAGGCAAATATACTGAGGTCCGGGTG
 G I A S F V C E Y A S P G K Y T E V R V
 ACAGTGCCTCGGCAGGCTGACAGCCAGGTGACTGAAGTCTGTGCGGCAACCTACATGATG
 T V L R Q A D S Q V T E V C A A T Y M M
 GGAATGAGTTGACCTTCCTAGATGATTCCATCTOCACGGGCACCTCCAGTGGAAATCAA
 G N E L T F L D D S I C T G T S S G N Q
 GTGAACCTCACTATCCAAGGACTGAGGGCCATGGACACGGGACTCTACATCTGCAAGGTG
 V N L T I Q G L R A M D T G L Y I C K V
 GAGCTCATGTACCCACCGCCATACTACGAGGGCATAGGCAACGGAACCCAGATTTATGTA
 E L M Y P P P Y Y E G I G N G T Q I Y V
 ATTGATCCAGAACCGTGCCCGAGATTCTGATCAGGAGCCCAAATCTTCTGACAAAACCTCAC
 I D P E P C P D S D Q E P K S S D K T H
 ACATCCCCACCGTCCCCAGCACCTGAATCCTGGGGGGATCGTCAGTCTTCTCTTCCCC
 T S P P S P A P E L L G G S S V F L F P
 CCAAACCCCAAGGACACCCCTCATGATCTCCCGAACCCCTGAGGTACATGCGTGGTGGTG
 P K P K D T L M I S R T P E V T C V V V
 GACGTGAGCCACGAAGACCCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGTACGTGGACGGCGTGGAGGTG
 D V S H E D P E V K F N W Y V D G V E V
 CATAATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC
 H N A K T K P R E E Q Y N S T Y R V V S
 GTCCTCACCGTCTGCACCAAGGACTGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTGAAGGTCTCC
 V L T V L H Q D W L N G K E Y K C K V S
 AACAAAGCCCTCCAGCCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA
 N K A L P A P I E K T I S K A K G Q P R
 GAACCACAGGTGTACACCCCTGCCCCCATCCCGGGATGAGCTGACCAAGAACCAGGTACGC
 E P Q V Y T L P P S R D E L T K N Q V S
 CTGACCTGCTGGTCAAAGGCTTCTATCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT
 L T C L V K G F Y P S D I A V E W E S N
 GGGCAGCCGGAGAACAACTACAAGACCACGCCCTCCCGTGTGGACTCCGACGGCTCCTTC
 G Q P E N N Y K T T P P V L D S D G S P
 TTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTCTCA
 F L Y S K L T V D K S R W Q Q G N V F S
 TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCT
 C S V M H E A L H N H Y T Q K S L S L S
 CCGGTAAATGA
 P G K

Figure 24

L104E A29L Ig

ATGGGTGTACTGCTCACACAGAGGACGCTGCTCAGTCTGGTCCTTGCACTCCTGTTTCCA
M--G--V--L--L--T--Q--R--T--L--L--S--L--V--L--A--L--L--F--P--
AGCATGGCGAGCATGGCAATGCACGTGGCCAGCCTGCTGTGGTACTGGCCAGCAGCCGA
S--M--A--S--M--A--M--H--V--A--Q--P--A--V--V--L--A--S--S--R--
GGCATCGCTAGCTTTGTGTGTGAGTATGCATCTCCAGGCAAATTGACTGAGGTCCGGGTG
G--I--A--S--F--V--C--E--Y--A--S--P--G--K--L--T--E--V--R--V--
ACAGTGTCTCGGCAGGCTGACAGCCAGGTGACTGAAGTCTGTGCGGCAACCTACATGATG
T--V--L--R--Q--A--D--S--Q--V--T--E--V--C--A--A--T--Y--M--M--
GGGAATGAGTTGACCTTCCTAGATGATTCCATCTGCACGGGCACCTCCAGTGGAAATCAA
G--N--E--L--T--F--L--D--D--S--I--C--T--G--T--S--S--G--N--Q--
GTGAACCTCACTATCCAAGGACTGAGGGCCATGGACACGGGACTCTACATCTGCAAGGTG
V--N--L--T--I--Q--G--L--R--A--M--D--T--G--L--Y--I--C--K--V--
GAGCTCATGTACCCACCGCCATACTACGAGGGCATAGGCAACGGAACCCAGATTTATGTA
E--L--M--Y--P--P--P--Y--Y--E--G--I--G--N--G--T--Q--I--Y--V--
ATTGATCCAGAACCGTGCCAGATTCTGATCAGGAGGCCAAATCTTCTGACAAAACCTCAC
I--D--P--E--P--C--P--D--S--D--Q--E--P--K--S--S--D--K--T--H--
ACATCCCCACCGTCCCCAGCACCTGAACTCCTGGGGGGATCGTCAGTCTTCCTCTTCCCC
T--S--P--P--S--P--A--P--E--L--L--G--G--S--S--V--F--L--F--P--
CCAAAACCAAGGACACCCTCATGATCTCCCGGACCCCTGAGGTCACATGCGTGGTGGTG
P--K--P--K--D--T--L--M--I--S--R--T--P--E--V--T--C--V--V--V--
GACGTGAGCCACGAAGACCTGAGGTCAAGTTCAACTGGTACGTGGACGGCGTGGAGGTG
D--V--S--H--E--D--P--E--V--K--F--N--W--Y--V--D--G--V--E--V--
CATAATGCCAAGACAAAGCCGGGGAGGAGCAGTACAACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC
H--N--A--K--T--K--P--R--E--E--Q--Y--N--S--T--Y--R--V--V--S--
GTCCTCACCGTCTGTCACCAGGACTGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTGAAGGTCTCC
V--L--T--V--L--H--Q--D--W--L--N--G--K--E--Y--K--C--K--V--S--
AACAAAGCCCTCCAGCCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA
N--K--A--L--P--A--P--I--E--K--T--I--S--K--A--K--G--Q--P--R--
GAACCACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGATGAGCTGACCAAGAACCAGGTCAGC
E--P--Q--V--Y--T--L--P--P--S--R--D--E--L--T--K--N--Q--V--S--
CTGACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT
L--T--C--L--V--K--G--F--Y--P--S--D--I--A--V--E--W--E--S--N--
GGGCAGCGGAGAACAACCTACAAGACCACGCCTCCCGTGTGGACTCCGACGGCTCCTTC
G--Q--P--E--N--N--Y--K--T--T--P--P--V--L--D--S--D--G--S--F--
TTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
F--L--Y--S--K--L--T--V--D--K--S--R--W--Q--Q--G--N--V--F--S--
TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCT
C--S--V--M--H--E--A--L--H--N--H--Y--T--Q--K--S--L--S--L--S--
CCGGGTAAATGA-----
P--G--K--*-----

Figure 25

L104E A29T Ig

1

ATGGGTGTA^{CT}GTCTACACAGAGGACGCTGCTCAGTCTGGTCCTTGCAC^{CT}CTCTTTCCA
M--G--V--L--L--T--Q--R--T--L--L--S--L--V--L--A--L--L--F--P--
AGCATGGCGAGCATGGCAATGCACGTGGCCCAGCCTGCTGTGGTACTGGCCAGCAGCCGA
S--M--A--S--M--A--M--H--V--A--Q--F--A--V--V--L--A--S--S--R--
GGCATCGCTAGCTTTGTGTGTGAGTATGCATCTCCAGGCAAACTACTGAGOTCCGGGTG
G--I--A--S--F--V--C--E--Y--A--S--P--G--K--T--T--E--V--R--V--
ACAGTGCTTCGGCAGGCTGACAGCCAGGTGACTGAAGTCTGTGGGCAACCTACATGATG
T--V--L--R--Q--A--D--S--Q--V--T--E--V--C--A--A--T--Y--M--M--
GGGAATGAGTTGACCTTCCTAGATGATTCCATCTGCACGGGCACCTCCAGTGGAAATCAA
G--N--E--L--T--F--L--D--D--S--I--C--T--G--T--S--S--G--N--Q--
GTGAACCTCACTATCCAAGGACTGAGGGCCATGGACACGGGACTCTACATCTGCAAGGTG
V--N--L--T--I--Q--G--L--R--A--M--D--T--G--L--Y--I--C--K--V--
GAGCTCATGTACCCACCGCCATACTACGAGGGCATAGGCAACGGAACCCAGATTATGTA
E--L--M--Y--P--P--P--Y--Y--E--G--I--G--N--G--T--Q--I--Y--V--
ATTGATCCAGAACCGTGCCAGATTCTGATCAGGAGCCCAAATCTTCTGACAAAAC^{CT}CAC
I--D--P--B--P--C--P--D--S--D--Q--B--P--K--S--S--D--K--T--H--
ACATCCCCACCGTCCCCAGCACCTGAACTCCTGGGGGGATCGTCAGTCTTCCTCTCCCC
T--S--P--P--S--P--A--P--E--L--L--G--G--S--S--V--F--L--F--P--
CCAAAACCCAAGGACACCCTCATGATCTCCCGGACCCCTGAGGTACATGCGTGGTGGTG
P--K--P--K--D--T--L--M--I--S--R--T--P--E--V--T--C--V--V--V--
GACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGTACGTGGACGGCGTGGAGGTG
D--V--S--H--E--D--P--E--V--K--F--N--W--Y--V--D--G--V--E--V--
CATAATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC
H--N--A--K--T--K--P--R--E--B--Q--Y--N--S--T--Y--R--V--V--S--
GTCCTCACCGTCTCTGCACCAGGACTGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTGAAGGTCTCC
V--L--T--V--L--H--Q--D--W--L--N--G--K--E--Y--K--C--K--V--S--
AACAAAGCCCTCCCAGCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA
N--K--A--L--P--A--P--I--E--K--T--I--S--K--A--K--G--Q--P--R--
GAACCACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGGATGAGCTGACCAAGAACCAGGTACGC
E--P--Q--V--Y--T--L--P--P--S--R--D--B--L--T--K--N--Q--V--S--
CTGACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT
L--T--C--L--V--K--G--F--Y--P--S--D--I--A--V--E--W--E--S--N--
GGCAGCCCGGAGAACTACAAGACCACGCCCTCCCGTGGTGGACTCCGACGGCTCCTTC
G--Q--P--E--N--N--Y--K--T--T--P--P--V--L--D--S--D--G--S--F--
TTCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
F--L--Y--S--K--L--T--V--D--K--S--R--W--Q--Q--G--N--V--F--S--
TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCT
C--S--V--M--H--E--A--L--H--N--H--Y--T--Q--K--S--L--S--L--S--
CCGGGTAAATGA-----
P--G--K--*-----

Figure 26

L104EA29W19

ATGGGTGTA CTGCTCACACAGAGGACGCTGCTCAGTCTGGTCCTTGCACCTCCTGTTTCCA
M--G--V--L--L--T--Q--R--T--L--L--S--L--V--L--A--L--L--F--P--
AGCATGGCGAGCATGGCAATGCACGTGGCCCCAGCCTGCTGTGGTACTGGCCAGCAGCCGA
S--M--A--S--M--A--M--H--V--A--Q--P--A--V--V--L--A--S--S--R--
GGCATCGCTAGCTTTGTGTGTGAGTATGCATCTCCAGGCAAATGGACTGAGGTCCGGGTG
G--I--A--S--F--V--C--E--Y--A--S--P--G--K--W--T--E--V--R--V--
ACAGTGCTTCGGCAGGCTGACAGCCAGGTGACTGAAGTCTGTGCGGCAACCTACATGATG
T--V--L--R--Q--A--D--S--Q--V--T--E--V--C--A--A--T--Y--M--M--
GGGAATGAGTTGACCTTCCTAGATGATTCATCTGCACGGGCACCTCCAGTGGAAATCAA
G--N--B--L--T--P--L--D--D--S--I--C--T--G--T--S--S--G--N--Q--
GTGAACCTCACTATCCAAGGACTGAGGGCCATGGACACGGGACTCTACATCTGCAAGGTG
V--N--L--T--I--Q--G--L--R--A--M--D--T--G--L--Y--I--C--K--V--
GAGCTCATGTACCCACCGCCATACTACGAGGGCATAGGCAACGGAACCCAGATTTATGTA
E--L--M--Y--P--P--P--Y--Y--E--G--I--G--N--G--T--Q--I--Y--V--
ATTGATCCAGAACCGTGCCAGATTCTGATCAGGAGCCCCAAATCTTCTGACAAAACCTCAC
I--D--P--E--P--C--P--D--S--D--Q--B--P--K--S--S--D--K--T--H--
ACATCCCCACCGTCCCCAGCACCTGAACCTCCTGGGGGGATCGTCAGTCTTCTCTTCCCC
T--S--P--P--S--P--A--P--E--L--L--G--G--S--S--V--F--L--P--P--
CCAAAACCCAAGGACACCCCTCATGATCTCCCGGACCCCTGAGGTACATGCGTGGTGGTG
P--K--P--K--D--T--L--M--I--S--R--T--P--E--V--T--C--V--V--V--
GACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGTACGTGGACGGCGTGGAGGTG
D--V--S--H--E--D--P--E--V--K--F--N--W--Y--V--D--G--V--E--V--
CATAATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC
H--N--A--K--T--K--P--R--E--E--Q--Y--N--S--T--Y--R--V--V--S--
GTCTCACCCTCCTGCACCAGGACTGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTGCAAGGTCTCC
V--L--T--V--L--H--Q--D--W--L--N--G--K--E--Y--K--C--K--V--S--
AACAAAGCCCTCCCAGCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA
N--K--A--L--P--A--P--I--E--K--T--I--S--K--A--K--G--Q--P--R--
GAACCACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGGATGAGCTGACCAAGAACCAGGTACGC
E--P--Q--V--Y--T--L--P--P--S--R--D--E--L--T--R--N--Q--V--S--
CTGACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT
L--T--C--L--V--K--G--F--Y--P--S--D--I--A--V--E--W--E--S--N--
GGGCAGCCGGAGAACAACCTACAAGACCACGCCCTCCCCTGCTGGACTCCGACGGCTCCTTC
G--Q--P--E--N--N--Y--K--T--T--P--P--V--L--D--S--D--G--S--F--
TTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
F--L--Y--S--K--L--T--V--D--K--S--R--W--Q--Q--G--N--V--P--S--
TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCT
C--S--V--M--H--E--A--L--H--N--H--Y--T--Q--K--S--L--S--L--S--
CCGGGTAAATGA-----
P--G--K--+

Figure 27

• •

Fig. 29A

Human CD80 CHO cells

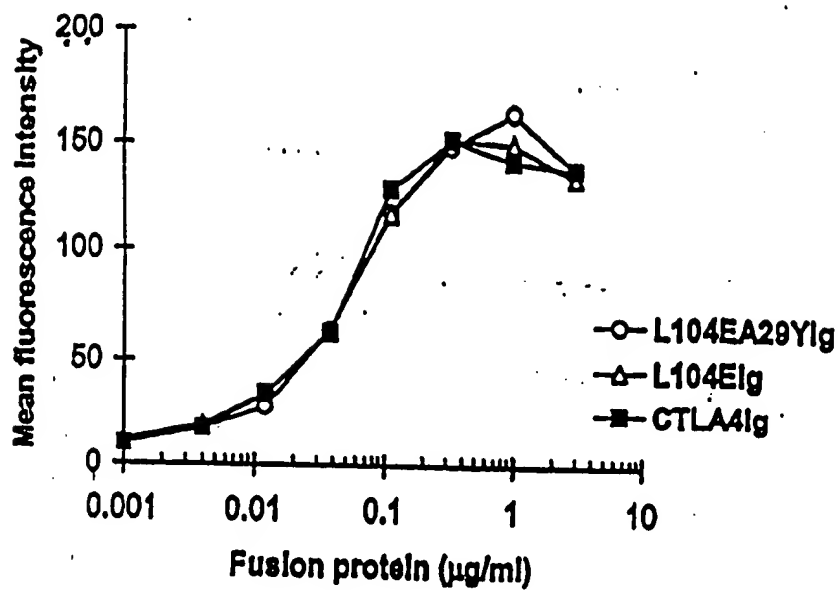


Fig. 29B

Human CD86 CHO cells

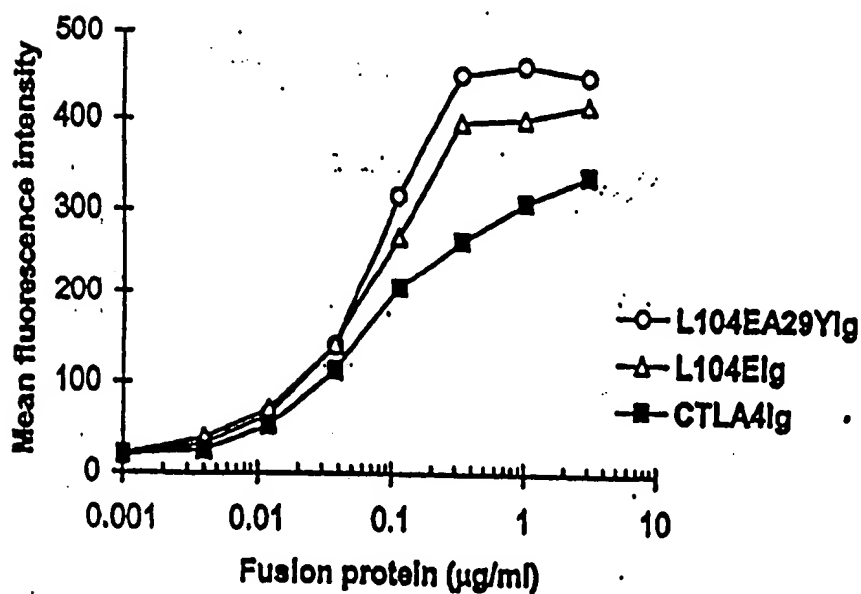


Fig. 30A CD80 CHO + PMA costimulation

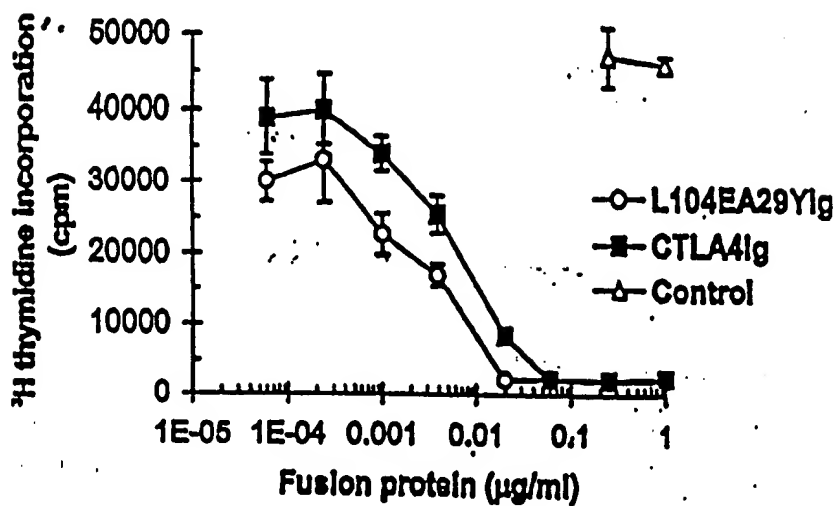


Fig. 30B CD86 CHO + PMA costimulation

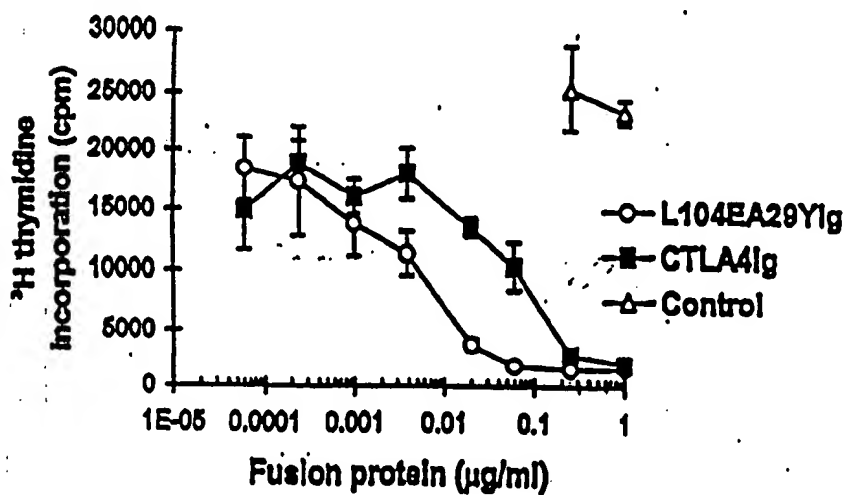


Fig. 3/ A Primary alloresponse

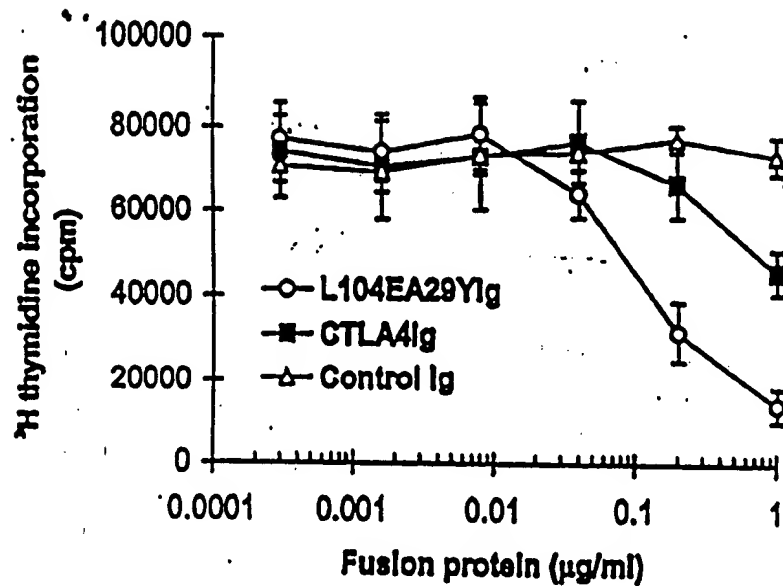
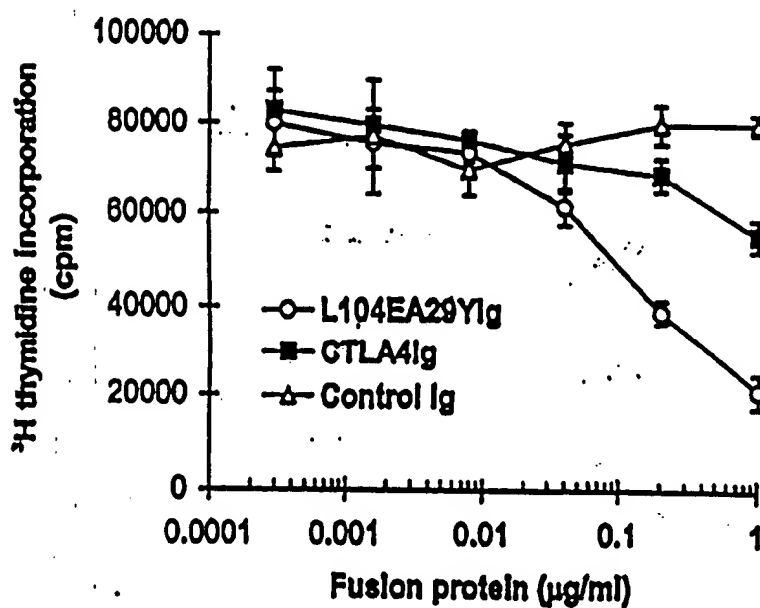


Fig. 3/ B Secondary alloresponse



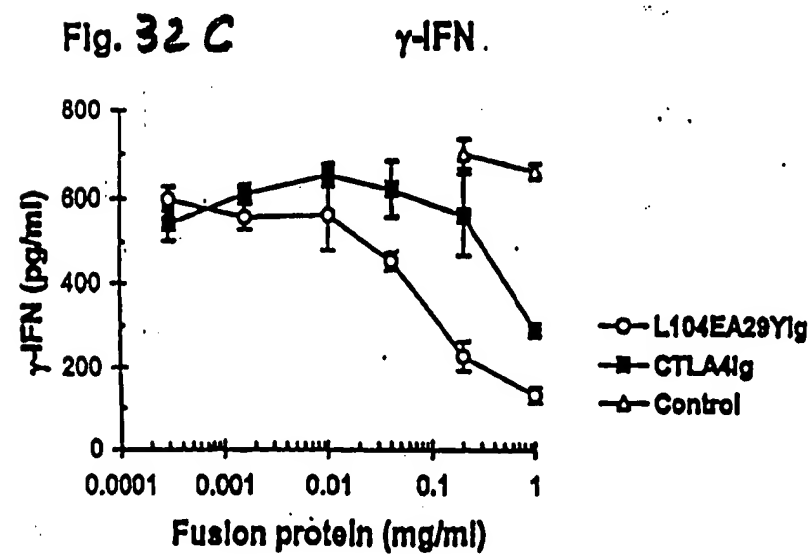
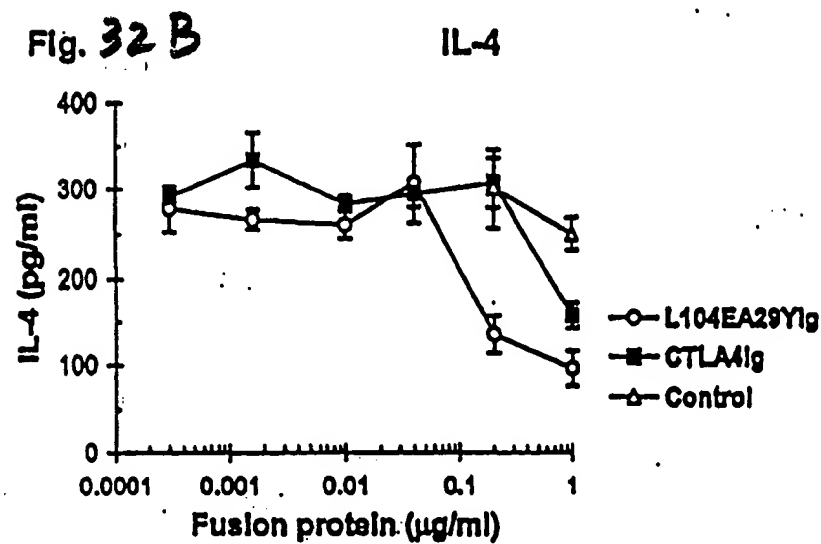
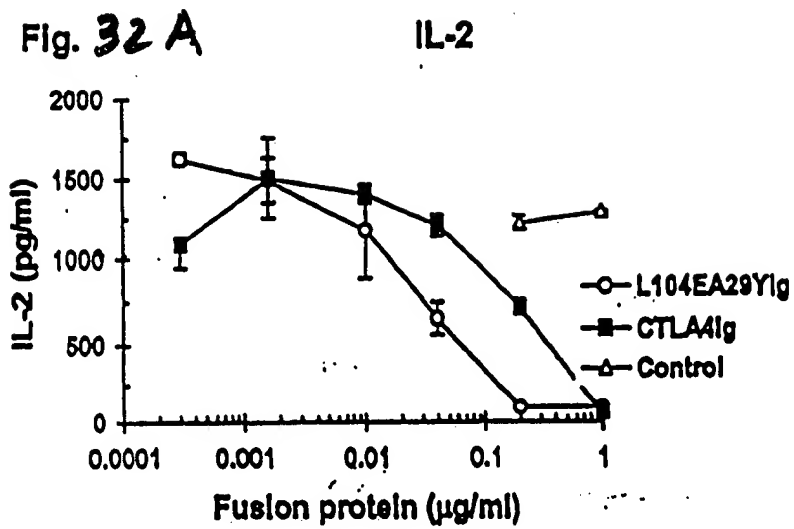


Fig. 33 Inhibition of PHA-induced monkey T cell proliferation

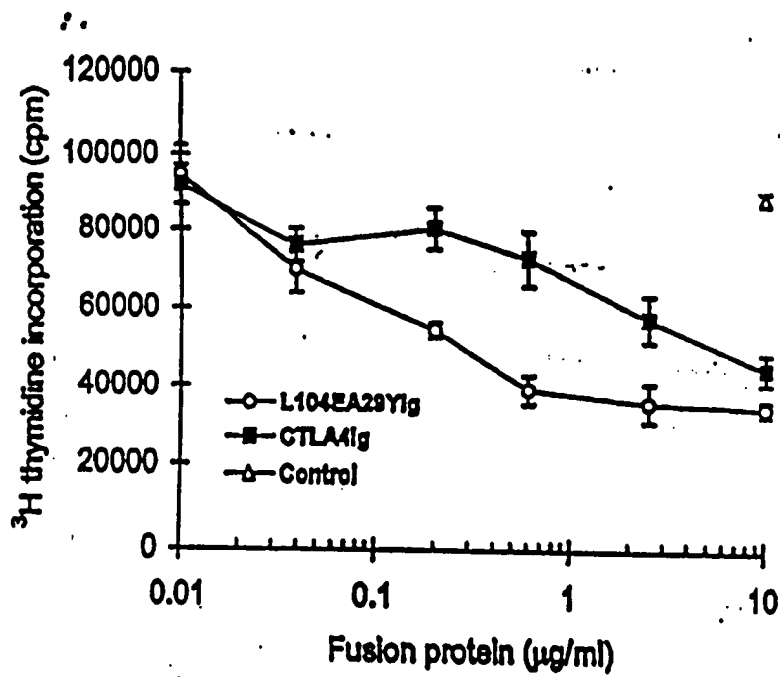


Fig 34A

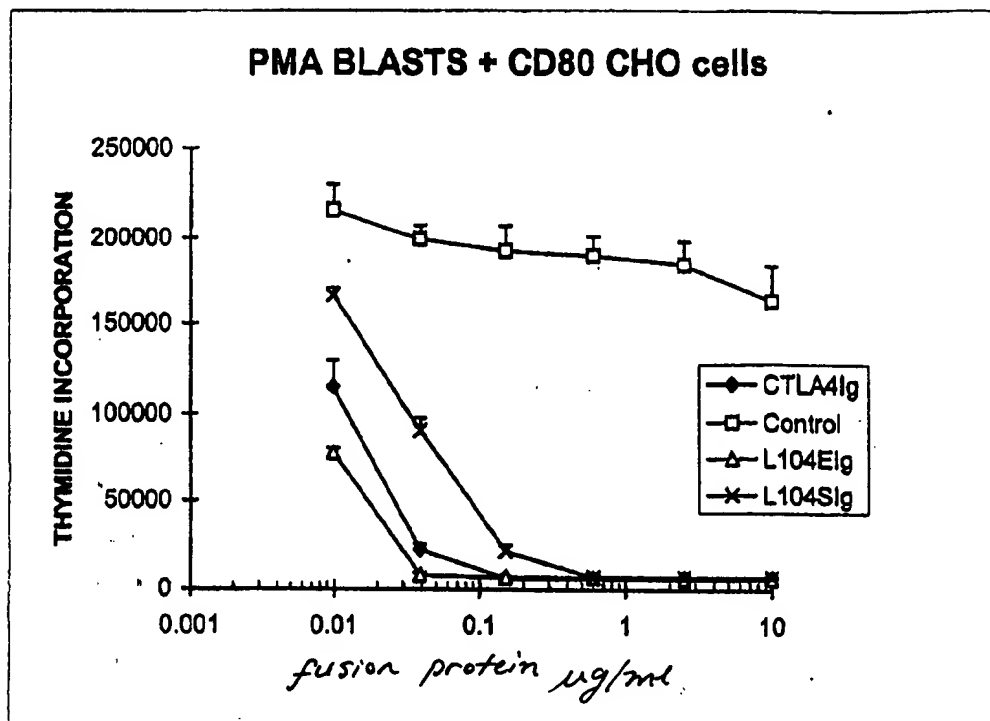


Fig. 34B

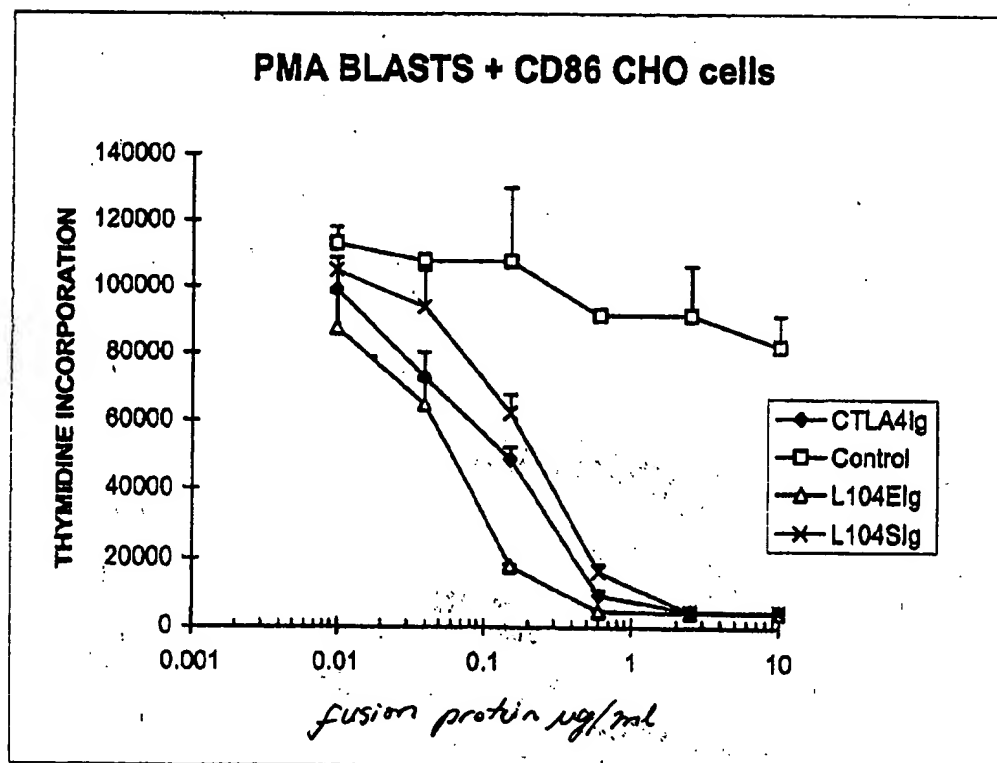


Fig. 35A

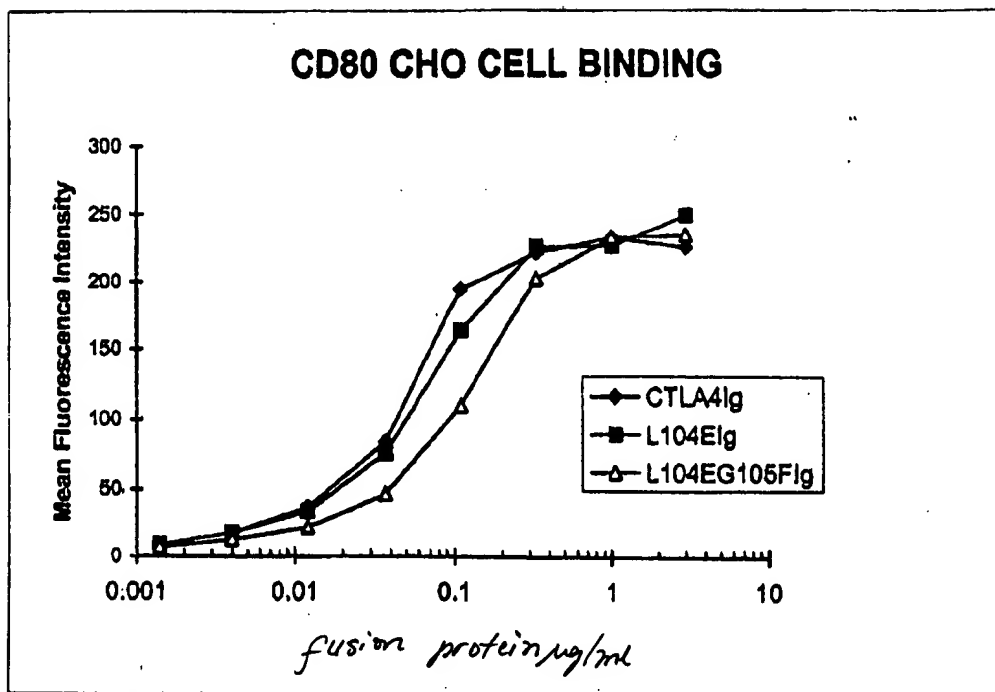


Fig. 35B

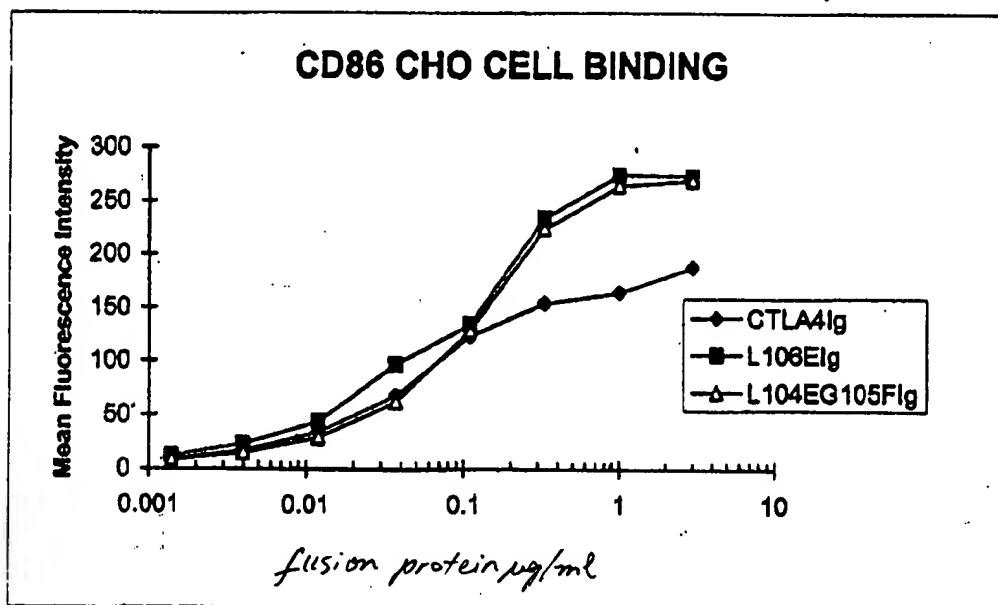


Fig 36

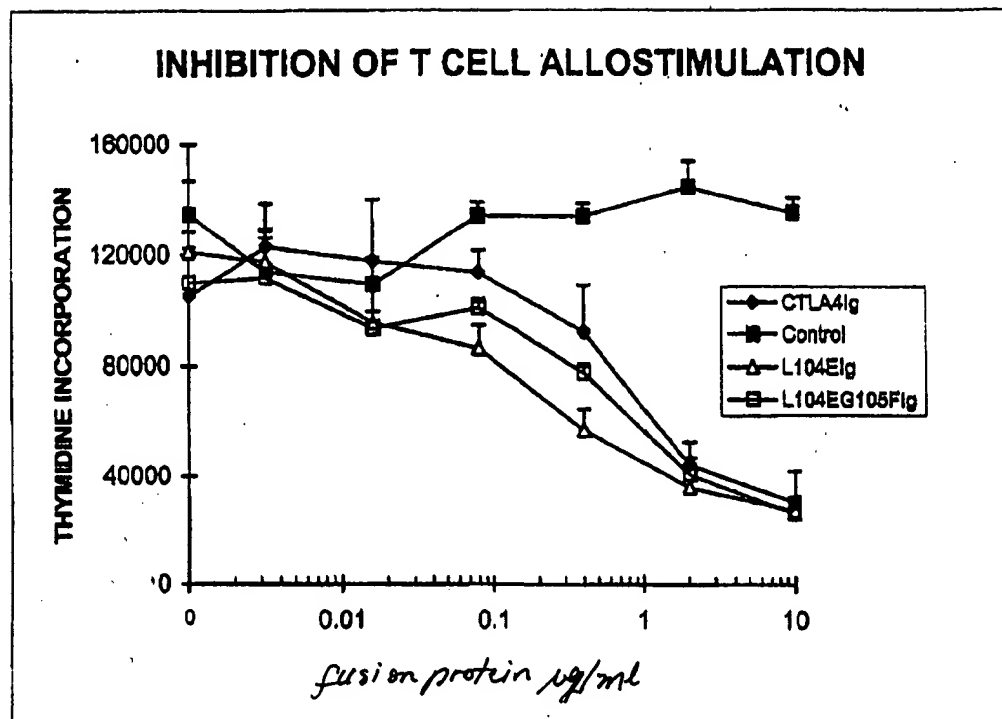


Fig 37 A

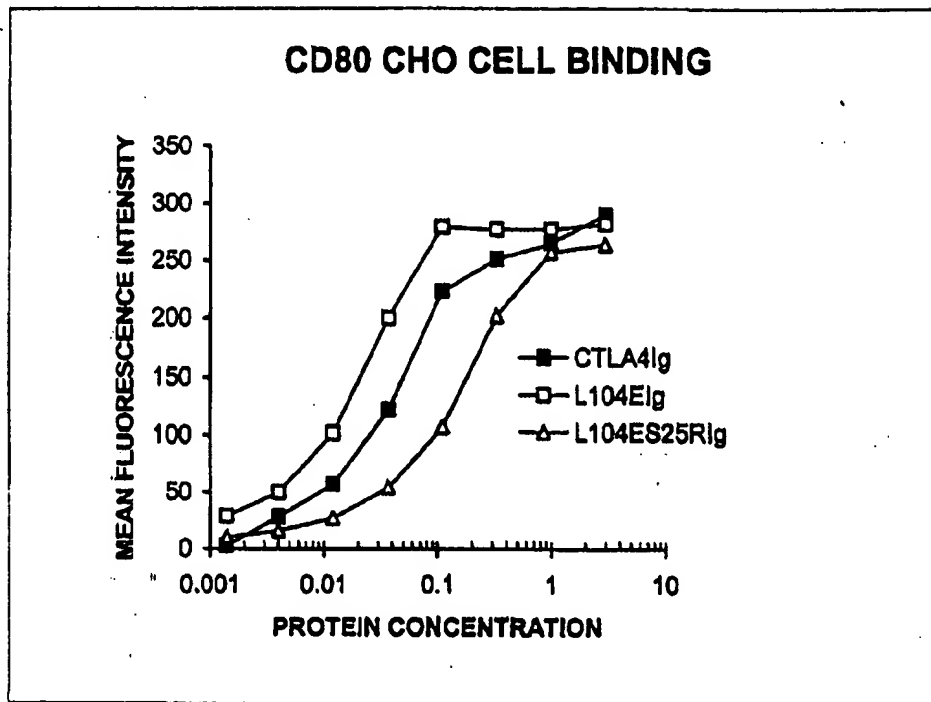


Fig. 37 B

